

結論

本研究共獲得台灣產飛蜥科七種攀蜥的核型資料，包含兩種可能為未發表的新種，攀蜥 sp. 1 和攀蜥 sp. 2；並首次紀錄台灣產攀蜥 sp. 1 具 ZZ/ZW 性染色體。斯氏攀蜥、黃口多稜攀蜥與攀蜥 sp. 1(雄蜥)染色體數目 $2N = 46$ 、NF 值 46，形態均為端著絲點染色體；牧氏攀蜥染色體數目 $2N = 40$ 、NF 值 56，八對具雙臂與十二對單臂染色體；短肢攀蜥、呂氏攀蜥與攀蜥 sp. 2 染色體數目 $2N = 36$ 、NF 值 44 - 46，五對具雙臂與十三對單臂染色體。

在 C-顯帶染色方面，染色結果不理想，故不列入討論。

在 NORs 方面，台灣產攀蜥 NORs 均只有一對，其中斯氏攀蜥位於第 18 對染色體上；短肢攀蜥位於第 18 對染色體上；牧氏攀蜥位於第 13 對染色體上；呂氏攀蜥位於第 13 對染色體上；黃口多稜攀蜥位於第 21 對染色體上；攀蜥 sp. 1 位於第 14 對染色體上；攀蜥 sp. 2 位於第 17 對染色體上。其中黃口多稜攀蜥、短肢攀蜥、呂氏攀蜥、牧氏攀蜥與攀蜥 sp. 2 的 NORs 位置具有同源性。

染色體核型，台灣地區的七種攀蜥可分為二型，第一型中有斯氏攀蜥、黃口多稜攀蜥與攀蜥 sp. 1；第二型中有牧氏攀蜥、短肢攀蜥、呂氏攀蜥與攀蜥 sp. 2，其中又可根據染色體數目分為 $2N = 40$ 群，包含牧氏攀蜥，與 $2N = 36$ 群包含短肢攀蜥、呂氏攀蜥與攀蜥 sp. 2。

染色體核型演化方面，從染色體數目 $2N = 46$ 演化變為 $2N = 36$ 或 $2N = 36$ 演化變為 $2N = 46$ ，建構出兩個假說，經由與攀蜥棲息環境與外部形態特徵比較，支持融合假說。台灣地區的攀蜥可分為兩群，多稜攀蜥群包括黃口多稜攀蜥、牧氏攀蜥、短肢攀蜥、呂氏攀蜥與攀蜥 sp. 2，其中短肢攀蜥、呂氏攀蜥與攀蜥 sp. 2 因染色體數目與 G-顯帶位置相似推測親緣關係較近，而這三種中又以短肢攀蜥與攀蜥 sp. 2 因具有較多對同源染色體親源又更為接近；斯氏攀蜥群包括斯氏攀蜥與攀蜥 sp. 1。多稜攀蜥群與斯氏攀蜥群互為姊妹群。